

Małgorzata Bogdan
Uniwersytet Wrocławski

Statystyczne metody lokalizacji genów odpowiedzialnych za istotne charakterystyki

Dzięki szybkiemu rozwojowi technologii pomiarowych genetycy mogą obecnie ustalać genotypy w tysiącach tzw. genetycznych markerów. Informacja ta jest wykorzystywana do lokalizacji genów wpływających na zadane cechy poprzez identyfikację związków między tymi genotypami a wartościami cechy. Taka statystyczna lokalizacja genów jest wykorzystywana np. w rolnictwie, gdzie umożliwia wczesną selekcję osobników do reprodukcji, czy w medycynie, gdzie jest wykorzystywana do selekcji pacjentów do spersonalizowanych terapii a także do oceny ryzyka zachorowania na pewne choroby. W trakcie wykładu omówimy klasyczne i współczesne metody lokalizacji genów i związane z nimi problemy statystyczne, typowe dla szerokiej klasy zagadnień związanych z analizą dużych zbiorów danych.